||"小柯"秀

一个会写科学新闻的机器人

《自然 - 方法学》

科学家开发出 新遗传编码多聚标签

欧洲分子生物学实验室 Julia Mahamid 等研 究人员开发出用于 cryo-EM 亚细胞蛋白质定位 的遗传编码多聚标签。相关研究 11 月 6 日发表于 《自然 – 方法学》。

研究人员提出了一种配体诱导型细胞内蛋白 质标记策略,该策略基于25纳米大小的荧光遗传 编码多聚体颗粒(GEM)。这些颗粒具有可识别的 结构特征,可通过卷积神经网络低温电子断层成 像(cryo-ET)数据对其自动检测。通过添加小分 子配体触发 GEM 与绿色荧光蛋白标记的相关大 分子的耦合,实现时间可控的标记,最大限度减少 对原生蛋白功能的干扰。

研究人员利用低温相关荧光和 cryo-ET 成像 技术展示了 GEM 在人体细胞不同细胞器中,对内 源性和过表达蛋白质进行亚细胞级定位的适用性。 研究人员介绍了量化标记特异性和效率的方法,以 及针对稀有和丰富蛋白质靶点进行系统优化的方 法,其重点是评估标记对蛋白质功能的潜在影响。

据悉,cryo-ET 可对原生细胞环境中的大分子 组装体进行无标记高分辨率成像。然而,在层析体积 中对感兴趣的大分子进行定位是一项挑战。

相关论文信息:

https://doi.org/10.1038/s41592-023-02060-1

用单细胞转录组数据推断 B细胞状态

英国伦敦大学学院 Franca Fraternali 等研究人 员发现,sciCSR 利用单细胞转录组数据推断 B 细 胞状态转变并预测类别变换重组(CSR)动态。相 关研究 11 月 6 日发表于《自然 - 方法学》。

研究人员报道了 sciCSR 从单细胞 RNA 测序 (scRNA-seq)实验中分析 B细胞的 CSR 事件和动 态。sciCSR 在模拟数据和真实数据上都得到了验 证,它重新分析了 scRNA-seq 的排列,以区分生产 性重链免疫球蛋白转录本和生殖"不育"转录本。根 据B细胞scRNA-seq数据快照,可建立马尔可夫 状态模型,推断 CSR 的动态和方向。

将 sciCSR 应用于严重急性呼吸系统综合征 冠状病毒疫苗接种时间序列 scRNA-seq 数据,研 究人员发现 sciCSR 可以利用所收集时间序列中 较早时间点的数据,预测后续时间点 B 细胞受体 复合物的同种型分布,准确率很高。利用 B 细胞 特有的过程,sciCSR 可以识别传统 RNA 速度分 析中经常忽略的转变,并揭示免疫反应过程中 B 细胞 CSR 的动态。

相关论文信息:

https://doi.org/10.1038/s41592-023-02060-1

《物理评论 A》

科学家利用随机相干态 模仿量子照明行为

英国斯特拉思克莱德大学 John Jeffers 团队成 功利用随机相干态模仿量子照明行为。相关研究 11月3日发表于《物理评论 A》。

该研究团队提出了一个协议,成功模仿了量子 照明的行为,却并未使用关联或纠缠模式。相反,该 协议运用了随机选择强度的相干脉冲。通过设计强 度分布,使得平均状态呈现出热化的特点。在特定条 件下, 该模仿协议甚至能够执行与采用直接测量的 量子照明方案相似的任务,即使在反射率低至10-7 的极端情况下仍然有效。此外,研究人员还提出了一 个解析条件,这一条件为人们确定每种协议最有效 的参数集提供了可能。

据悉,量子照明利用量子关联性,在背景噪声 存在的情况下实现对物体的增强检测。这种优势 已经被证实存在,即使在两个关联模态采用非最 优直接测量的情况下也是如此。

相关论文信息:

https://doi.org/10.1103/PhysRevA.108.052404

更多内容详见科学网小柯机器人频道: http://paper.sciencenet.cn/Alnews/

世界首只 胚胎干细胞"嵌合猴"诞生

"做科研一定要敢于冒险。"刘真说,"就像研 究生入学时,蒲慕明院士讲的那样,要敢于啃'硬 骨头,

"我们的目标不只是一步领先,而是要步步 领先。"刘真说。

生命科学前沿的路并不好走。除了科研方面的 难题,每一次,刘真与合作者们介绍研究成果时,必 然会被"拷问"相关伦理问题。比如嵌合体研究是否 会带来像希腊神话中"奇美拉"一样的怪物。

对此,刘真表示,相关研究都遵循了国际国 内相关程序,确保远离红线。

"目前,我们开展的只是基础科学研究。相关 研究未来对基因工程技术发展和濒危物种保护有 实际意义,可以帮助我们构建更精确的猴模型,用 于神经系统疾病以及其他生物医学领域的研究。' 他说,比如建立"渐冻症"动物模型,推动相关疾病

下一步,研究人员希望提升嵌合体猴的培育 效率,并进一步探索制约嵌合体猴生存的因素。

据介绍,首只胚胎干细胞系"嵌合猴"仅存活 了 10 天, 其背后的原因目前研究团队尚不清楚。 他们仅发现嵌合体中由胚胎干细胞发育而来的细 胞和由受体胚胎细胞发育而来的细胞在表观遗传 修饰上存在一些差别。

"所以,我们要继续寻找原因。"刘真说。

相关论文信息:

http://doi.org/10.1016/j.cell.2023.10.005

工程酵母新纪录:合成 DNA 含量过半

包含 7.5 条人工染色体仍能存活和复制

本报讯 11 月 8 日,合成酵母基因组计划 (Sc2.0)在《细胞》和《细胞基因组学》发表 3 篇论文 称,制造出一种超过 50%的基因组 DNA 序列均 由人工合成的酿酒酵母菌株。标准酿酒酵母的遗 传信息存储在16条染色体上,而新菌株的6.5条 染色体都是在实验室中编辑合成的,此外还有1 条染色体由经过编辑的 DNA 片段拼接而成。

目前科学家已经可以完全合成一些病毒和细 菌的基因组,但是它们都有简单的遗传结构。例 如,大肠杆菌只有1条染色体,而细菌是原核生 物,这意味着它们是单细胞,没有复杂的细胞核来 容纳染色体。如果 Sc2.0 实现目标,那么工程酵母 将是第一个拥有完全合成基因组的真核生物。

Sc2.0 团队的研究人员来自亚洲、欧洲、北 美和大洋洲的实验室,他们希望通过操纵合成 的酿酒酵母,以便有一天可以生产药物和燃料。 该项目负责人、美国纽约大学合成生物学家 Jef Boeke 表示,通过在不干扰其生存的情况下调整 生物体,科学家对酵母生物学的认识也在提高。

美国马萨诸塞州非营利性公司 Cultivarium

首席科学官 Nili Ostrov 认为,Sc2.0 正在推动生 物工程领域所能达到的极限。从历史上看,基因 工程师一直专注于修改生物体中的单个基因, 而现在, 生物学家可以看到当重新设计整个染 色体时会发生什么。

Sc2.0 的主要目标之一是消除酵母基因组 中潜在的不稳定来源。其中一个来源是大量的 重复 DNA,它们不编码任何东西,但可以通过 自然过程相互重组,导致基因组发生重大结构 变化。合成生物学家想要完全控制工程酵母,因 此,Sc2.0 团队用计算机程序梳理了酿酒酵母的 基因组,找到高度重复的区域并删除了它们。

为提高稳定性,科学家从染色体中去除了 编码 tRNAs 的所有 DNA 片段,并将它们重新 安置到完全合成的新染色体中。tRNAs 对细胞 的功能至关重要,但为它们编码的 DNA 序列是 不稳定的。因此,将它们转移到新染色体中能提 高稳定性,这是研究人员更好控制合成酵母菌 以及探索生物学极限的一种方法。

为了将 7.5 条合成染色体整合到一个细胞

中,研究团队制造了酵母菌株,每个菌株都含有 1条编辑过的染色体,以及其他15条自然版本 的染色体。然后,他们培育了两种菌株,并选择 了含有两种编辑过的不同染色体的后代。之后, 这些菌株在培育中被加入另一条编辑过的染色

即使染色体发生了巨大变化,最终拥有7.5 条染色体的细胞仍存活下来并且可以复制。

Boeke 说,虽然制造细胞的过程很耗时,但 真正放慢速度的是调试。首先,研究人员必须测 试每个含有新合成染色体的酵母细胞是否有活 力,这意味着它可以存活并正常运作,然后根据 需要,调整遗传密码来解决出现的问题。当两条 及以上合成染色体位于同一细胞中时, 可能导 致必须修复的新错误,因此随着过程的进行,调 试问题会变得更加复杂。

目前,该团队正在努力用完全合成的染色 体取代剩余的天然染色体,每添加1条新染色 体,就需要调试越来越复杂的系统,这意味着许 多工作都需要重新来过。



含有 7.5 条合成染色体的酵母细胞能够正常 分裂成两个细胞。 图片来源: Cell

相关论文信息:

https://doi.org/10.1016/j.cell.2023.09.025 https://doi.org/10.1016/j.cell.2023.10.015 https://doi.org/10.1016/j.xgen.2023.100438

■ 科学此刻 ■

确定奇怪 星系的形状

一个国际天文学家团队利用美国宇航局的 詹姆斯·韦布空间望远镜,发现了一个年龄超过 110 亿年的棒旋星系。相关研究 11 月 8 日发表 于《自然》。 大部分旋涡星系都像银河系一样, 因星系

盘自身的不稳定性而在星系中心形成由大量恒 星聚集而成的"棒"状结构,这一类星系被称为 棒旋星系。人类所在的银河系就是一个旋涡结 构的棒旋星系。

研究人员从韦布空间望远镜的"宇宙演化 早期发布科学巡天"调查数据中发现了一个奇 怪的星系。该调查拍摄了数千个非常遥远星系

该研究通讯作者、西班牙天体生物学中心

美国批准一种高效减肥药

图片来源:Shutterstock



ceers-2112 的艺术效果图。

院的 Louis Aronne 说。

的天文学家 Luca Costantin 说:"一开始,我只觉 得这个星系看起来有点奇怪, 无法对它的形状 进行分类。"通过与哈勃太空望远镜的数据进行 交叉对比,研究人员确定这是一个棒旋星系,并 将其命名为 ceers-2112。

"这是我们见过药物减肥量最多的一次,相

该处方药由美国礼来制药公司开发,此前

'随着肥胖率的上升,用于管理体重的药物

替西帕肽的品牌名称为 Zepbound,该药需

当于手术的减肥幅度。"美国威尔·康奈尔医学

名为 Mounjaro,被批准用于治疗 2型糖尿病。它

需求增加,这方面面临短缺。"美国纽约大学朗

格尼健康中心的 Priya Jaisinghani 说, 替西帕肽

每周注射一次,模拟两种激素——GLP-1和

GIP。"一旦我们开始进食,身体就会自然产生

GIP, 这会增加饥饿感, 然后在进食后释放

GLP-1,引发饱腹感。"Aronne 说,"而当你同时

在 Aronne 和同事于 2022 年发表的一项临床

试验研究中,2500 多名肥胖但未患糖尿病的

成年人服用安慰剂或低、中、高剂量的替西帕

肽 72 周。服用最高剂量的人平均体重减轻了

近 21%,约 24 公斤。与此同时,那些服用最低

这种组合可能就是替西帕肽有效的原因。

摄入 GIP 和 GLP-1 时,会进一步降低食欲。

的获批将增加供应量,弥补此类药物的短缺。

现在是美国批准的第七种减肥药物。

图片来源:Luca Costantin

研究发现, ceers-2112 的历史可以追溯到 宇宙刚刚诞生20亿年时,而宇宙大爆炸发生 在大约137亿年前。 (孟凌霄)

相关论文信息:

尚未完成。

到改善。

体重还会反弹。

服用该药物。

https://doi.org/10.1038/s41586-023-06636-x

剂量的人体重减轻了15%,约16公斤。相比之

下,流行的减肥药物、模拟 GLP-1 的索马鲁肽

平均减重约15%。不过,直接比较两者的试验

醇、胰岛素和血压,并改善了他们的身体活动

能力。Aronne 说:"一旦你的体重减轻了 15%

或更多,与肥胖相关的大多数并发症都会得

的副作用,此外,服用该药的人一旦停止使用,

康风险仍然未知。仅模拟 GLP-1 的药物,如索

马鲁肽,已经存在了好多年。一些证据表明,它

们可能会增加患某些癌症、肾脏疾病和严重胃

鼠患甲状腺肿瘤,但尚不清楚它是否会导致

人类患甲状腺肿瘤。FDA表示,甲状腺髓样癌

症患者以及某些遗传性内分泌疾病患者不能

肠道疾病的风险,但发生率很低。

替西帕肽还降低了服用药物的人的胆固

然而,替西帕肽有恶心、便秘、腹泻和呕吐

这是令人担忧的, 因为替西帕肽的长期健

据 FDA 称, 替西帕肽已被证明会导致大

粪菌移植 可安全有效抑制耐药菌

据新华社电 近日发表在美国《科学 - 转化医 学》杂志上的一项新研究说,粪菌移植在抑制人体 内耐药菌繁殖方面是安全有效的。如果进一步临 床试验成功, 该方法有望用于有多重耐药菌感染 风险的人群,如接受器官移植的患者等。

目前,抗生素耐药性已成为全球性问题,最 主要挑战是"超级细菌"的出现,这类细菌对多 种药物具有最强的耐药性。 粪菌移植又称粪菌转移, 指用来自健康人

粪便中的功能菌群替换或强化患者的肠道菌 群,从而实现肠道及肠道外疾病的治疗。

在一项初步临床试验中,美国埃默里大学 研究人员领衔的团队为 11 名接受肾移植的患 者进行了粪菌移植。接受器官移植的患者可能 面临多重耐药菌感染风险。

根据随机选择,一部分患者在肾移植手术 后立即接受粪菌移植,另一部分患者在肾移植 手术 36 天后粪便样本显示多重耐药菌阳性迹 象情况下接受粪菌移植。如果患者接受一次粪 菌移植后多重耐药菌检测仍然呈阳性, 他们将 接受第二次粪菌移植。

试验显示,在完成所有治疗的9名患者中, 最终有8人多重耐药菌检测呈阴性。该结果表 明, 粪菌移植可能通过提供竞争性菌株减少患 者体内多重耐药菌,该疗法还可能减少多重耐 药菌感染的复发。

研究人员认为, 粪菌移植可能在改善器官 移植患者治疗、降低其他患者群体的医疗费用 等方面具有广泛意义,但还需通过进一步临床 试验来确定合适的移植剂量等。

可卡因成瘾改变奖励感知

本报讯 美国科学家发现,可卡因成瘾会 扰乱多巴胺神经元,后者控制着人们如何感知 奖励并从中学习经验。相关研究近日发表于 《神经元》。

为了研究偏差在可卡因成瘾中的作用,科学 家使用功能磁共振成像扫描检查可卡因成瘾者 在执行一项任务时的神经活动,并将其与健康对 照组进行比较。这项任务在"安全"奖励和"风险" 奖励之间进行选择,后者的奖励可能比前者高得 多或低得多。研究人员比较了预测偏差计算两个 阶段的大脑活动:第一个阶段是期望阶段,即参 与者作出决定并期待奖励时;第二个阶段是实际 奖励阶段,即当参与者看到结果时。

结果发现,可卡因成瘾者的预测偏差响应 减少,这与动物研究结果一致。当将预测偏差响 应分解成各个组成部分时,研究人员发现两组 人的奖励预期信号是相似的,但可卡因成瘾者 获得奖励后的信号较弱。

"我们的研究结果支持成瘾是一种需要治 疗的大脑紊乱。"论文通讯作者、美国西奈山 伊坎医学院神经科学和成瘾专家 Rita Goldstein 说。 (冯维维)

相关论文信息:

见网络安全配置错误。

http://doi.org/10.1016/j.neuron.2023.09.015

|环球科技参考

者的体重平均减轻了近 21%。

中国科学院成都文献情报中心

替西帕肽可用于治疗2型糖尿病。

量子信息科技巨头成立后量子加密联盟

本报讯 日前,一种名为替西帕肽的减肥药

已获得美国食品药品监督管理局 (FDA) 的批

准,适用于超重、高血压或2型糖尿病等体重相

关疾病患者。在临床试验中,该药使超重或肥胖

近日,一个新的技术联盟正式成立,其使命

是推动后量子加密的应用。 后量子加密联盟的创始成员包括美国微软 公司、IBM 量子、非营利组织 MITRE、英国量子 公司 PQ Shield、美国量子初创公司 Sandbox AQ 和加拿大滑铁卢大学,目标是推进后量子加密 在商业和开源技术中的应用。

后量子加密联盟成员表示,将寻求和美国 国家标准与技术研究院国家网络安全卓越中心 后量子加密迁移项目合作, 为量子加密社区提 供技术和指导。该联盟主要任务包括提高标准、 推进后量子加密迁移,创建技术材料、支持教育 和劳动力发展,聚焦行业抗侧通道攻击、生成和

验证开源代码,确保加密"敏捷性" "量子计算机可能还没有出现,但已经给国 家安全和经济安全带来了机遇和威胁。 MITRE 相关负责人表示,"政府和行业需携手 加快采取行动,确保未来敏感数据和通信不会 轻易暴露。"

美国发布新指南提高开源软件安全性

近日,美国网络安全与基础设施安全局、 联邦调查局、国家安全局和美国财政部发布 了一份关于"提高操作技术和工业控制系统 中开源软件安全"的新指南。该指南是作为 2023年开源软件规划倡议的一部分,与行业 和政府合作伙伴共同开发的。该指南旨在帮 助操作技术供应商和关键基础设施实体更好 地防范使用开源软件所带来的风险,提高系 统的安全性和韧性。

该指南主要针对组织使用开源软件时面临 的软件安全挑战,提出了相关的建议以提高安 全性和风险管理。这项持续的规划与合作支持 了国家战略中的具体目标, 即扩大公私合作关 系,实施网络安全办公室的开源软件安全计划, 并补充了网络安全局的开源软件安全路线图, 以安全地发展开源软件。

英国等加人全球电信网络新计划

近日,英国、澳大利亚、加拿大、日本和美国 等国家宣布加入一个新的全球电信网络计划, 旨在增强通信网络的韧性。这一名为全球电信 创新联盟的倡议旨在使这些国家成为下一代电 信技术的领导者。

英国科学、创新和技术部(DSIT)部长 Michelle Donelan 表示,这一合作具有历史性意 义,显示了各国共同致力于利用电信力量造福 全球的信心。DSIT 将拨款 7000 万英镑给英国 研究与创新未来电信技术使命基金会,以支持 下一代电信技术的发展。

然而,这个全球电信创新联盟没有包括电 信供应链中的一些关键参与者, 如韩国和欧盟 成员国。这个联盟汇聚了澳大利亚、加拿大、日 本和美国等国家, 其目标是增强通信网络的韧 性。尽管英国政府承诺投资 7000 万英镑用于支 持国内下一代电信技术的发展,以使英国在6G 技术领域成为领导者,但电信分析师 John

Strand 指出,对于 6G 技术的讨论在 5G 和 4G 时代也曾出现过。

美国发布十大网络安全配置错误

近日,美国国家安全局和网络安全与基础 设施安全局公布大型组织网络攻击中的十大常

十大常见的网络安全配置错误包括:软件 和应用程序的默认配置、用户/管理员权限分 离不当、内部网络监控不足、缺乏网络分割、 补丁管理不善、系统访问控制绕过、多因素认 证方法弱或配置错误、网络共享和服务上的 访问控制列表不足、凭证卫生状况差、无限制 的代码执行。

相应的缓解措施旨在减少攻击者利用这些 常见错误配置的风险,包括消除默认凭证,停用 未使用的服务并实施严格的访问控制,确保定 期更新并自动化补丁过程,减少、限制、审核和 监视管理账户和权限。 (杨况骏瑜编译)