

大话农科

迎战玉米“呼吸道”传染病

■本报见习记者 卜叶

跟人类一样，香甜的玉米也会得“呼吸道”传染病，这种病就是灰斑病。该病自20世纪20年代首次发现以来，至今还没有“特效药”，对玉米生产造成极大不确定性。

玉米灰斑病广泛分布于美洲、亚洲、欧洲及非洲等玉米主产区。近年来，灰斑病在我国玉米产区广泛发生，尤其是西南玉米区，病害程度逐年加剧，面积逐年扩展，一度成为海拔较高的冷凉玉米种植区的主要叶部病害。

为解决这一问题，四川省农业科学院作物研究所研究员何文铸课题组历经十年攻关，利用传统作物学、基因组学、分子生物学和生物信息学方法潜心开展系列研究，锁定了53个灰斑病抗性相关基因，并筛选出4个共同的候选抗病基因，选育抗病自交系，组配选出了一批高产优质的抗病组合，研发出成单3601等高抗品种。课题组在玉米灰斑病抗性QTL定位的研究取得进展，相关成果发表于《植物病理学》杂志。

黎明前的黑夜

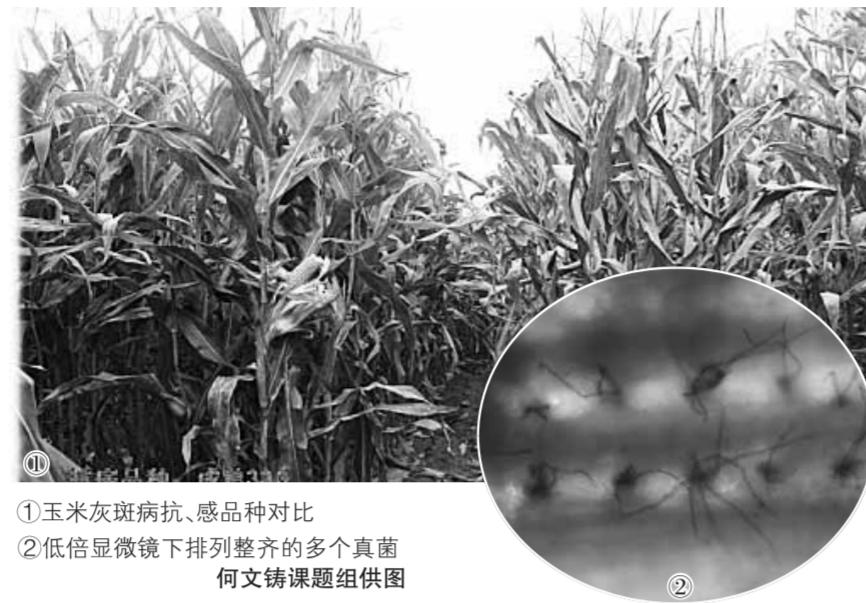
玉米灰斑病是由玉蜀黍尾孢、玉米尾孢等多种尾孢菌引发的，主要危害叶片，致使叶片产生与叶脉平行的长矩形病斑。染病叶片上的尾孢菌逐渐成熟，产生孢子，体态轻盈的孢子借助于空气流动而散播到临近植株，或更远的地方，从而使整片农田染病。

何文铸介绍，玉米灰斑病的发生与品种、气候、地理位置、栽培条件等因素有关，其中气候因素起主导作用。一般，7月中旬为该病的高发期，此时玉米刚完成抽雄吐丝，正是果实生长的关键时期。

“玉米抽雄吐丝拼尽全力，而尾孢菌正好对丰收果实虎视眈眈。7月的玉米趁着黑夜，盼着黎明。”何文铸说。

面对这一强大敌人，除了“忍耐”，还有一些预防措施，比较常见的是喷洒药物和采用物理方法。

何文铸表示，物理方法采用秋翻春耙、堆沤处理病株、间套轮作等方式，控制病株残体量和越冬病原菌数量，费工耗时。或通过调整播期，降低田间密度，改善植株易感病期田间小



①玉米灰斑病抗、感品种对比
②低倍显微镜下排列整齐的多个真菌
何文铸课题组供图

气候，分散种植，规避灰斑病发生条件，但往往效果不佳。化学药剂喷洒能起到一定预防作用，但对于大田或偏远地区难以操作。

传统防治方法的局限困扰着何文铸。2008年，“5·12”汶川地震后，四川雅安部分地区暴发玉米灰斑病。

“宝兴县发病面积就达1300多公顷，90%以上的玉米发病，严重田块叶片全部枯死，玉米面临绝收风险。”何文铸说。

这深深触动了身处四川并从事农业研究的何文铸，坚定了他研究玉米灰斑病的决心，由此他与团队展开了近十年的面壁攻关。

“生产上，发病后没有高效的防控方法，抗病品种的选育与推广是最为有效可靠的防治方法。只有研制出高抗品种，才能大大减少感病品种的种植，从而让良币驱逐劣币。”何文铸告诉《中国科学报》。

探寻具有稳定抗性的优良品种

高抗品种从哪里来？何文铸团队想到玉米地里寻找答案。

从2010年开始，依托国家支撑计

划、四川省玉米创新团队和“院州合作”项目，团队成员前往全国各地收集玉米种质资源，共计900多种。经过鉴定筛选，获得了一批抗灰斑病的玉米材料。

这些具有抗病性的玉米材料可以直接应用吗？答案是否定的。四川省农科院作物所副研究员杨麟举例，来自北方的玉米种植到南方山区后可能“水土不服”，出现其它疾病或者产量不理想。

为了选拔综合实力优秀的玉米“种子选手”，2011年，研究团队将鉴定出的抗性材料进行杂交，用不同种质的有利基因重新聚合，得到具有优良综合性状的群体。

“群体抗性佳，但抗性不稳定。如果种植抗性群体间杂交后的种子，就会得到性状不稳定的田间表现，很可能导致玉米减产。”杨麟说。

为了选育抗性稳定性高的高产品种，研究团队从抗性群体中选择优株自交，以获得抗性基因纯合的植株，从而创制出抗灰斑且高配合力的玉米新自交系。

四川省农业科学院作物研究所博士陈洁介绍，玉米灰斑病的发病环境极难在实验室模拟，自交系的培育往往在户外的试验田进行，通过自然接种对玉米

进行侵染，分析其抗性。该方式需要大量田间诱发鉴定，易受环境影响，耗资大且效率低。更令研究人员心焦的是，稳定成熟的自交系培育往往需要6代以上，这意味着6年的等待。

“玉米灰斑病主要在海拔1200米以上高温冷凉的山区发生，成都平原基本不发病，鉴定试验田都在山区。试验田与实验室200公里的山路，一天的路程，又为时间成本加码。”何文铸说。

为此，研究团队成员积极探寻实验室接种鉴定的方法。功夫不负有心人，研究人员采用人工气候箱，反复进行人工接种试验，终于突破了人工接种的难题，并获得国家发明专利。

何文铸表示，这为后续玉米灰斑病的抗性基因转录组研究工作提供了坚实的基础条件，也为后来利用灰斑病优良抗性基因，采用分子标记辅助育种和常规聚合育种相结合的方法，培育出高产高抗的优良杂交玉米品种打下基础。

将育种进行到底

在人工气候箱的帮助下，结合大田鉴定，研究团队培育并获得抗病和高配合力玉米自交系CS210、H8211等。目前，通过国家和省级严格的区试程序，抗灰斑高产品种成单333、成单335等获得国审和省审，并在生产上进行推广应用。

谈及未来的研究计划，何文铸表示，育种是一个无止境的工作，接下来研究团队将根据当前的研究成果，继续培育出类似成单388、成青381等系列抗灰斑高产玉米品种，以创造更大的生产和社會价值。

此外，何文铸表示，除了玉米、高粱、香茅、须芒草等多种禾本科植物也面临灰斑病的威胁。特别是高粱和玉米是近缘种，其基因组相似，很多基因高度保守。香茅和须芒草及玉米一样同属禾本科，它们之间的同源基因多数都具有相同或相似功能，因此可以将玉米上的抗灰斑病基因通过遗传转化的方式转入到高粱、香茅等禾本科植物中以提高抗病能力，提升其产量和品质。

相关论文信息：<https://doi.org/10.1111/jph.12673>

环球农业

食之“鸡肋”或有滋味

人们在吃鸡的过程中发现，快速生长的肉鸡胸肌出现了“木质化”问题，使鸡胸肉变得又干又柴。这被称为木质化鸡胸肉综合征。

鸡肉变得坚硬、难嚼，会让肉鸡失去市场，给养殖者带来重大经济损失。美国是目前全世界肉鸡生产量最大的国家，保守估计，该病每年造成的损失高达2亿美元。在美国特拉华州，有700多家提供养殖肉鸡的生产商。有的养殖者发现，多达一半的鸡身上出现了木质化鸡胸肉综合征。

“我们观察到，假如有某条特定的静脉受到免疫细胞的攻击，这条静脉通常也会表达更高水平的脂蛋白脂肪酶。”他说。

而作为膳食蛋白质的重要来源之一，近年来全球鸡肉消费量上升，木质化鸡胸肉日渐成为全世界关注的问题。

美国特拉华大学的研究人员分析了与木质化鸡胸肉有关的基因，确定了相关的生物标志物，还找出了患病肉鸡坚硬的胸肌组织有哪些独特的生物化学特征。以这些工作为基础，他们终于找到了木质化鸡胸肉的根源。研究结果日前发表在《科学报告》上。

“木质化鸡胸肉发病时基因表达异常，表明该疾病是一种代谢紊乱，其特征是乳腺肌肉组织中脂肪的异常堆积。”领导了这项研究的特拉华大学动物与食品科学副教授Behnam Abash说。

研究人员在此次工作中注意到，患有木质化鸡胸肉综合征的肉鸡，有一种关键的酶出现异常——脂蛋白脂肪酶的表达量较高。这是一种对脂肪代谢至关重要的酶，它把控着特定组织内可以有多少脂肪。因此，这种酶表达量高会让脂肪异常聚集在胸肌中。

研究小组使用RNA测序来确定哪些基因在快速生长的现代肉鸡和缓慢生长的传统鸡中表达，然后采用了一种称为RNA原位杂交的

新技术来精确定位基因的表达位置，发现在鸡的内皮细胞中有表达脂蛋白脂肪酶的遗传证据。内皮细胞存在于所有血管中，是血液与周围组织之间的屏障。

Abash猜测，当鸡的胸肌组织内有更多的脂肪被氧化，可能会导致大量自由基分子释放出来。自由基分子会破坏肌肉中的脂肪和蛋白质，促使鸡的免疫系统开始运作。

“我们观察到，假如有某条特定的静脉受到免疫细胞的攻击，这条静脉通常也会表达更高水平的脂蛋白脂肪酶。”他说。

这一发现可为鉴别将患病肉鸡提供潜在的标记物，也有助于推动短期解决方案，让养殖者通过饲料添加剂或补充剂在生产水平上控制鸡的病情，帮助肉鸡避免或改善木质化鸡胸肉。

目前仅在肉鸡中发现了木质化鸡胸肉问题，感恩节餐桌上的火鸡是否受到了同样的影响，科学家还不知道。

有趣的是，研究人员还报道了木质化鸡胸肉综合征和人类糖尿病并发症之间的共同特征。也就是说，这项研究还可以为与代谢综合征相关的人类健康研究提供信息，如糖尿病和动脉粥样硬化——这些疾病与动物中的脂肪沉积有关。

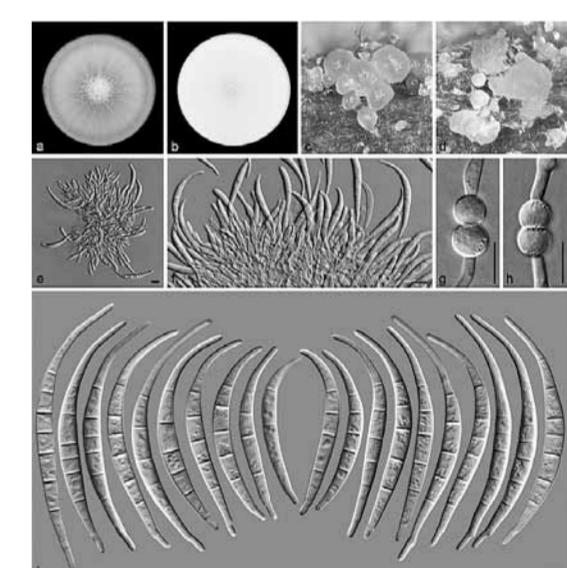
Abash表示，如果他们能找到共同的解决方案，这项工作的一个深远目标可能是以鸡为模型，研究人类糖尿病的可能治疗方法。

“我们重点是从农业角度解决这个问题，但研究结果也为未来研究开辟了新的视野，既有益于农业，也有益于人类健康。这对来说是一个非常有趣的前景。”Abash说。

(王方编译)
相关论文信息：<https://doi.org/10.1038/s41598-019-53728-8>

进展

镰刀菌群系统发育树构建成功



该团队以荷兰CBS菌种保藏中心收集的变红镰刀菌和木贼镰刀菌的菌株为材料，对其进行形态和分子鉴定及生物学特性系统研究。

本报讯 近日，山东农业大学植保学院教授张修国团队在镰刀菌群鉴定研究中取得重要进展，发表在国际真菌分类权威期刊Persoonia上。

镰刀菌是最重要的植物病原菌之一，但是由于主模式丢失，出现了大量的同物异名现象，导致分类长期处于混乱状态。该团队与荷兰韦斯蒂克真菌生物多样性研究所合作，以荷兰CBS菌种保藏中心收集的变红镰刀菌和木贼镰刀菌的菌株为材料，对其进行形态和分子鉴定及生物学特性

系统研究，并采用多基因位点构建系统发育树。

该系统发育树形成了47个分支，其中44个属于变红—木贼镰刀菌复合种群，另外3个属于弯角镰刀菌复合种群。团队利用双名命名法，对系统发育树中未命名的物种进行了命名，解决了变红—木贼镰刀菌复合种群的分类混乱现状，为人们深入认识镰刀菌的形态特征和分子特性提供了新的科学证据。

(张晴丹 程荣惠)
相关论文信息：<https://doi.org/10.3767/persoonia.2019.43.05>

研究发现提升水稻产量新方法

本报讯 全球有超过30亿人每天以大米(水稻)作为主食，随着人口不断增长，对水稻的需求有增无减。因此，科学家在积极寻找与水稻增产和改良水稻营养成分有关的基因。记者12月1日获悉，香港理工大学生物科学院教授蔡美莲带领团队，发现了一种可以使水稻种子体积及重量增加、促进水稻增产的方法。研究成果近日发表于《植物杂志》。

该团队鉴定出一种水稻蛋白——水稻酰基辅酶A结合蛋白2(OsACBP2)，有助提升水稻的产量及营养成分。当OsACBP2在转基因水稻超表达时，水稻种子体积及重量均增加10%，单株植物的生产能力也提升了10%。同时，OsACBP2超表达转基因水稻种子的产量也超过了对照组10%以上。

OsACBP2是一个酯类结合蛋白，可以结合酰基辅酶A。这是一种合成种子油类的重要前体，可促进在本项研究中的转基因水稻中油类积累显著提升。研究人员还表示，OsACBP2不仅可以使种子体积及重量明显增加，更有效提高种子的营养价值。

由于OsACBP2可以提高油类产量及转基因水稻种子体积及重量增加，这项研究成果可有效提升农业生产，增加粮食产量，以应对全球日益增长的粮食需求。研究人员表示，相关成果能够提升水稻等农作物种子的体积、产量和油类含量。该技术应用在粮食作物中，将有望缓解粮食危机，提升粮食的营养价值。

(唐凤)
相关论文信息：<https://doi.org/10.1111/pj.14503>

前沿



褐飞虱 南京农业大学供图

本报讯 11月25日，微生物学领域国际期刊The ISME Journal在线发表南京农业大学最新研究成果。植物保护学院昆虫分子生态与进化实验室教授洪晓月课题组揭示了共生细菌Wolbachia与稻飞虱互利共生的进化机制，为研究昆虫与共生微生物互作提供了新的视角。

微生物广泛存在于地球的各种生态环境中，在昆虫体内也不例外。经长期共进化，许多微生物与昆虫逐渐形成密切的共生关系，并渐渐丧失在体外生存的能力。但目前对于这种共生关系形成的分子机制知之甚少。

论文通讯作者洪晓月介绍，稻飞虱是水稻上的重要害虫，主要包括褐飞虱、白背飞虱和灰飞虱3种，以刺吸水稻等植物的汁液为生。植物汁液中富含糖分，但缺少氨基酸、维生素等营养物质。该研究发现，共生细菌沃尔巴克氏体(Wolbachia)能够通过合成维生素B₁(生物素)和B₂(核黄素)来补充稻飞虱食料中所缺少的维生素，进而提高稻飞虱种群的增长。基因组水平的系统进化分析推测，Wolbachia的维生素B₁合成通路可能从另一种Cardinium细菌水平转移而来。

该研究得到了国家自然科学基金、南京农业大学高层次人才引进科研启动项目的资助。

(张晴丹)

相关论文信息：<https://doi.org/10.1038/s41396-019-0559-9>

相关论文信息：<https://doi.org/10.1111/jph.12673>